

Mit der Analyse des Parkinsonpanels (Parkinson-all genes) wurden folgende Gene untersucht:

Gene (RefSeq – in der jeweils aktuellen Version zum Zeitpunkt der Auswertung)

SNCA (NM\_001146055)  
LRRK2 (NM\_198578)  
VPS35 (NM\_018206)  
CHCHD2 (NM\_016139)  
VPS13C (NM\_020821)  
PRKN (NM\_013988)  
PINK1 (NM\_032409)  
PARK7 (NM\_007262)  
ATP13A2 (NM\_022089)  
PLA2G6 (NM\_001349867)  
FBXO7 (NM\_012179)  
DNAJC6 (NM\_001256864)  
SYNJ1 (NM\_003895)  
ATP1A3 (NM\_152296)  
TAF1 (NM\_004606)  
GCH1 (NM\_000161)  
TH (NM\_199292)  
SPR (NM\_003124)  
SLC6A3 (NM\_001044)  
SLC30A10 (NM\_018713)  
DCTN1 (NM\_004082)  
CP (NM\_000096)  
GLB1 (NM\_000404)  
PTS (NM\_000317)  
QDPR (NM\_000320)  
WDR45 (NM\_001029896)  
GBA (NM\_001005742)  
SPG11 (NM\_025137)  
ZFYVE26 (NM\_015346)  
POLG (NM\_001126131)  
FTL (NM\_000146)  
PANK2 (NM\_153638)  
C19orf12 (NM\_001031726)  
GRN (NM\_002087)  
MAPT (NM\_001123066)  
RAB39B (NM\_171998)  
PRKRA (NM\_003690)  
DNAJC13 (NM\_015268)  
EIF4G1 (NM\_001194947)  
HTRA2 (NM\_181575)  
FA2H (NM\_024306)

Repeat expansion Mutationen werden mit der eingesetzten Methode (Exome Sequencing) nicht erfasst.